

目 次

综述与专论

- 光信号和昼夜节律调控植物感知冷胁迫的研究进展 李文萃 彭羽佳 刘勇波 (1)
- 作物抗 ACCase 抑制剂类除草剂研究进展
..... 王璐 王荣焕 冯铃洋 张璐 赵琦 王家乐 赵久然 (13)
- 芽孢杆菌耐受胁迫条件的机制及工业应用 韩钟尧 霍毅欣 郭淑元 (24)
- 整合组织学图像信息增强空间转录组细胞聚类的分辨率 王睿 戚继 (39)
- Tet-On 系统中多西环素对 MBD1 诱导表达的调控研究 卢茜 袁月 李丹 张鹏 (47)
- 水稻籽粒 γ -氨基丁酸含量的全基因组关联分析
..... 孙志勇 杜怀东 刘阳 马嘉欣 于雪然 马伟 姚鑫杰 王敏 李培富 (53)
- 大豆 GS 基因家族全基因组鉴定及胁迫响应分析
..... 武帅 辛燕妮 买春海 穆晓娅 王敏 岳爱琴 赵晋忠 吴慎杰 杜维俊 王利祥 (63)
- 大麦非特异性磷脂酶 C 基因家族全基因组鉴定及苗期胁迫表达分析
..... 崔原瑗 王昭懿 白双宇 任毓昭 豆飞飞 刘彩霞 刘凤楼 王掌军 李清峰 (74)
- 藜麦配子发育相关基因 CqSTK 的筛选及功能分析
..... 林彤 袁程 董陈文华 曾孟琼 杨燕 毛自朝 林春 (83)
- 免疫诱抗剂 ZNC 对小麦赤霉病防治和产量的影响
..... 张晓英 毛咪 王洪凤 丁新华 朱树伟 石磊 (95)
- 黑果枸杞不同发育时期果实花色苷合成的转录组分析
..... 聂祝欣 郭瑾 乔子洋 李微薇 张学燕 刘春阳 王静 (106)
- 山药 DoWRKY40 基因表达特征分析及互作蛋白筛选
..... 邢丽南 张艳芳 葛明然 赵令敏 陈妍 霍秀文 (118)
- 芥菜 SRO 基因家族全基因组鉴定与表达分析
..... 杨巍 赵丽芬 唐兵 周麟笔 杨娟 莫传园 张宝会 李飞 阮松林 邓英 (129)
- 滇山茶 bHLH 基因家族鉴定及花色形成相关基因筛选 周麟 黄顺满 苏文坤 姚响 屈燕 (142)
- 茶树海藻糖-6-磷酸合成酶 (TPS) 基因家族鉴定与表达分析
..... 刘丹丹 王雷刚 孙明慧 焦小雨 吴琼 王文杰 (152)
- 油楠 SgTPS7 的克隆及其在萜类生物合成和非生物胁迫中的功能 余纽 柳帆 杨锦昌 (164)
- 卵叶牡丹花色苷合成相关基因 bHLH 的克隆与功能分析 李雨晴 吴楠 罗建让 (174)
- 灵宝杜鹃 bZIP 家族全基因组鉴定及表达特征分析
..... 李勇慧 鲍星星 段一珂 赵运霞 于相丽 陈尧 张延召 (186)

向日葵 YABBY 基因家族鉴定及表达分析

..... 王茜 周家燕 王倩 邓玉萍 张敏慧 陈静 杨军 邹建 (199)

百合斑驳病毒在卷丹顶端分生组织中的分布

..... 许雪飞 杨盼盼 张文亮 边光亚 徐雷锋 刘会超 明军 (212)

烟草 NtPRR37 基因克隆及功能分析

..... 李亦君 杨小贝 夏琳 罗朝鹏 徐馨 杨军 宁黔冀 武明珠 (221)

L-抗坏血酸联合超声处理鲜切芋艿的最佳条件

..... 陈琳 陈莉莉 陈琳琳 章敏 陈炳智 江玉姬 (232)

三株小球藻抗旱性能评价

..... 韩凯 周永顺 张凯月 王路 高剑峰 陈福龙 (244)

促进水稻铁素吸收的野生稻内生细菌优良菌株的筛选与鉴定

..... 李庆懋 彭聪归 齐笑含 刘兴蕾 李臻园 李沁妍 黄立钰 (255)

复合微生物菌剂对葡萄生长、品质及根际土壤环境的影响

..... 车建美 赖恭梯 李思雨 郭奥琳 陈冰星 陈杏 刘波 赖呈纯 (264)

仿突变生物合成调控对土曲霉 C23-3 次生代谢产物的影响

..... 马小翔 马泽源 刘亚月 周龙建 和羿帆 张翼 (275)

1,2-二氯乙烷降解菌群的富集及关键降解菌 Ancylobacter sp. BL0 的分离鉴定

..... 张志梅 张彦猛 谢东明 杨秀云 王浪 左梓涵 吴志国 (288)

响应面法优化暹罗芽孢杆菌产大环内酯的发酵培养条件

..... 张梦菲 余炼 李菲 李喆 苏芯莹 蓝彩碧 朱虎 秦莹 (299)

利用新型红酵母苯丙氨酸解氨酶制备低苯丙氨酸酪蛋白

..... 张阿娜 韩雪 谷天一 辛凤姣 王钰璐 (309)

金黄色葡萄球菌型乳房炎奶牛乳腺组织的 lncRNA 差异表达分析

..... 周冉 王兴平 李彦霞 罗仍卓么 (320)

技术与方法

基)

研究报告

水)

(本期值班编辑 朱琳峰)

CONTENTS

- Research Progress in Light Signal and Circadian Rhythm Regulating the Perception of Plants to Cold Stress LI Wen-cui PENG Yu-jia LIU Yong-bo (1)
- Research Progress of Crop Resistance to ACCase-inhibitor-like Herbicides WANG Yao WANG Rong-huan FENG Ling-yang et al (13)
- Mechanism and Industrial Application of Bacillus Tolerance to Stress Conditions HAN Zhong-rao HUO Yi-xin GUO Shu-yuan (24)
- Integrating Histological Image Information to Enhance Cell Clustering Resolution in Spatial Transcriptome WANG Rui QI Ji (39)
- Studies on the Regulation of MBD1-induced Expression by Dox in the Tet-On System LU Xi YUAN Yue LI Dan ZAHNG Peng (47)
- Genome-wide Association Analysis of γ -aminobutyric Acid in Rice Grains SUN Zhi-yong DU Huai-dong LIU Yang et al (53)
- Genome-wide Identification and Stress Response Analysis of Soybean GS Gene Family WU Shuai XIN Yan-ni MAI Chun-hai et al (63)
- Genome-wide Identification of Non-specific Phospholipase C Gene Family in Hordeum vulgare L. and Stress Expression Analysis at Seedling Stage CUI Yuan-yuan WANG Zhao-yi BAI Shuang-yu et al (74)
- Screening and Functional Analysis of Gene CqSTK Associated with Gametophyte Development of Quinoa LIN Tong YUAN Cheng DONG Chen-wen-hua et al (83)
- Effect of Immune Inducer ZNC on the Prevention and Control of Wheat Scab and the Yield of Wheat ZHANG Xiao-ying MAO Mi WANG Hong-feng et al (95)
- Transcriptome Analysis of the Anthocyanin Biosynthesis in the Fruit Development Processes of Lycium ruthenicum Murr. NIE Zhu-xin GUO Jin QIAO Zi-yang et al (106)
- Analysis of DoWRKY40 Gene Expression Characteristics and Screening of Interacting Proteins in Yam XING Li-nan ZHANG Yan-fang GE Ming-ran et al (118)
- Genome-wide Identification and Expression Analysis of the SRO Gene Family in Brassica juncea L. YANG Wei ZHAO Li-fen TANG Bing et al (129)
- Identification of the bHLH Gene Family and Selection of Genes Related to Color Formation in Camellia reticulata ZHOU Lin HUANG Shun-man SU Wen-kun et al (142)
- Genome-wide Identification and Expression Pattern Profiling of the Trehalose-6-phosphate Synthase (TPS) Gene Family in Tea Plant (Camellia sinensis) LIU Dan-dan WANG Lei-gang SUN Ming-hui et al (152)

- Cloning of SgTPS7 in Sindora glabra and Its Function in Terpene Synthesis and Abiotic Stress YU Niu LIU Fan YANG Jin-chang (164)
- Cloning and Functional Analysis of bHLH Gene Related to Anthocyanin Synthesis in Paeonia quii LI Yu-qing WU Nan LUO Jian-rang (174)
- Genome-wide Identification and Expression Features Analysis of the bZIP Family in Rhododendron henanense subsp. lingbaense LI Yong-hui BAO Xing-xing DUAN Yi-ke et al (186)
- Identification and Expression Analysis of the YABBY Gene Family in Sunflower WANG Qian ZHOU Jia-yan WANG Qian et al (199)
- Distribution of Lily Mottle Virus in the Shoot Tips and Root Tips of Lilium lancifolium XU Xue-fei YANG Pan-pan ZHANG Wen-liang et al (212)
- Cloning and Functional Analysis of NtPRR37 Gene in Nicotiana tabacum L. LI Yi-jun YANG Xiao-bei XIA Lin et al (221)
- Optimal Conditions for L-ascorbic Acid Combined with Ultrasonic Treatment of Fresh-cut Taro CHEN Lin CHEN Li-li CHEN Lin-lin et al (232)
- Evaluation of Drought Resistance of Three Chlorella Strains HAN Kai ZHOU Yong-shun ZHANG Kai-yue et al (244)
- Screening and Identification of Excellent Strains of Endophytic Bacteria Promoting Rice Iron Absorption from Wild Rice LI Qing-mao PENG Cong-gui QI Xiao-han et al (255)
- Effects of Compound Microbial Agent on the Growth, Quality and Rhizosphere Environment of Grape CHE Jian-mei LAI Gong-ti LI Si-yu et al (264)
- Effects of Simulated Mutational Biosynthetic Regulation on the Secondary Metabolites of Aspergillus terreus C23-3 MA Xiao-xiang MA Ze-yuan LIU Ya-yue et al (275)
- Enrichment of 1, 2-dichloroethane Degrading Bacterial Consortium, and Isolation and Identification of Ancylobacter sp. BL0 of a Key Degrading Bacterial Strain ZHANG Zhi-mei ZHANG Yan-meng XIE Dong-ming et al (288)
- Optimization of Fermentation Culture Conditions for Macrolactins Yield of Bacillus siamensis Using Response Surface Methodology ZHANG Meng-fei YU Lian LI Fei et al (299)
- Preparation of Low-phenylalanine Casein by Novel Phenylalanine Ammonia-lyases Derived from Rhodotorula ZHANG A-na HAN Xue GU Tian-yi et al (309)
- Analysis of LncRNA Differential Expression in Mammary Tissue of Cows with Staphylococcus aureus Mastitis ZHOU Ran WANG Xing-ping LI Yan-xia LUORENG Zhuo-ma (320)