

# 基于转录组与代谢组解析黄瓜雌花花冠延迟开放的关键调控通路

范丽金<sup>1,2,3</sup> 宋晓飞<sup>2,3</sup> 李晓丽<sup>1,2,3</sup> 闫立英<sup>1,2,3\*</sup> 谢洋<sup>1,2,3\*</sup>

(1. 河北科技师范学院园艺科技学院, 秦皇岛 066004; 2. 河北省特色园艺种质挖掘与创新利用重点实验室, 秦皇岛 066004; 3. 河北省高校特色园艺植物生物育种应用技术研发中心, 秦皇岛 066004)

## Integrated Transcriptome and Metabolome Analysis Reveals Key Regulatory Pathways Underlying Delayed Female Corolla Opening in Cucumber

DOI: 10.13560/j.cnki.biotech.bull.1985.2026-0024

附表 1 黄瓜雌花花冠延迟开放相关 DEGs 表达量的验证引物

Table 1 Validation primers for expression levels of DEGs related to delayed opening of cucumber female flower corollas

ID	Forward sequence (5'-3')	Reverse sequence (5'-3')
<i>Csactin</i>	ATTGTTCTCAGTGGTGGTTCTAC	CCTTGAGATCCACATCTGCT
Csa03g1174	GAGTGTGTCAGCGTGTGAGTGA	GAGCATTCTCCTTGGCCTGT
Csa02g0003	AGCCTGGCTGCTCAAATGAT	ATGCGTTGACTGTGGTTTGC
Csa06g2749	TTCCGAGTGCTATTTGGGGT	CCAACCCGGTATCGAACCAA
Csa07g1708	TCGGAAGCAGTGAATTGGGT	GACAAGGTCATCGTACCGA
Csa02g0970	GGAGAAAGGAAACGGTGGCA	TGGCCAAGGCATCAGAAAAGT
Csa07g1897	CAATGGCCCCCTGATGAACT	CTGCAACAACCTTCTGGTGGC
Csa06g0978	AAAGCCGACGAAATCCAACG	TGGCGAATCAGTAGGGACAAC
Csa02g3975	GGTGGCCGTTTTGGAGATCA	TCCATGACTCAATGGGTGGC
Csa06g2748	CTGAGTAGAACCGCCAGTCCG	AGGAAGTGAATGGCACGGAG
Csa03g1196	GGTTAGCCGCAAAATGGTCA	GATCGACGGTAACTCCTGGC
Csa03g1197	CCGGCCTCGATGAAAATAA	TGGCCATCCCAATCTGAG
Csa07g1709	GTCGCACCGAATCAAAGTCG	TTCCCAACGTCAGAAACGCT
Csa06g2376	CTCAATTGGGGTTTGGCTGC	GCAATAGCAGCCACCTGAGA
Csa04g3140	CCCAGTCGGAGTTTGGAGCTT	CGCCAGACACAGGGTTTTTG
Csa06g2378	CGGCAGCAATTATGGAGCAC	CTTGAGGGGTGAAGTGTCCC
Csa05g0474	CTTTAGTGAACGGGAATGGC	GAGGACATGCCTCCAAAAGC
Csa01g0987	AGAGAAATGCCCTGGAGTTGT	TTCATTGTGGTCTGGAAGATACTC
Csa06g3566	TTGGAGCCTTCAGTGCCAAA	CCTGAGCCCAAGCGCTATTA
Csa05g1866	TGGCAAATATCACTCCGACA	GTTTCGTGCTCCCTCGGATAG